

陈发波,高 健,姚启伦,等. 不同肉质颜色萝卜 *DFR* 基因表达差异分析[J]. 江苏农业科学,2019,47(12):182–185.
doi:10.15889/j.issn.1002–1302.2019.12.040

不同肉质颜色萝卜 *DFR* 基因表达差异分析

陈发波^{1,2}, 高 健^{1,2}, 姚启伦^{1,2}, 方 平¹, 向明芳³, 梁 军¹

(1. 长江师范学院生命与科学技术学院, 重庆 408100; 2. 长江师范学院武陵山片区绿色发展协同创新中心, 重庆 408100;
3. 重庆市涪陵区江北街道农业服务中心/重庆市涪陵区江北街道办事处, 重庆 408000)

摘要:为了探明 *DFR* 基因的表达量与萝卜红色素含量之间的关系,以 16 个色素含量不同的萝卜品种为研究材料,测定肉质根色素含量和 *DFR* 基因的表达量,并进行方差分析。结果表明,不同类型萝卜品种间色素含量存在真实的差异,16 个萝卜品种间色素含量变幅在 0.01‰~25.43‰,平均值为 7.40‰。采用 RT-PCR 法定量分析 *DFR* 基因相对表达量,结果表明,*DFR* 基因在 16 个品种萝卜中的表达差异达到了极显著水平,*DFR* 基因表达量在 0.077 9~6.639 3 之间,平均值为 1.574 1。对 16 个萝卜品种的 *DFR* 基因表达量与色素含量进行相关分析,结果表明,*DFR* 基因相对表达量与色素含量之间的相关系数为 0.89,达到了极显著水平,说明 *DFR* 基因的表达量越高,萝卜红色素的含量越高。推测 *DFR* 基因可能是萝卜红色素合成的关键基因,可将其作为萝卜或其他作物色素生产基因工程的候选基因。

关键词:红心萝卜;红色素;RT-PCR;*DFR* 基因;表达量;方差分析

中图分类号: S631.101 **文献标志码:** A **文章编号:** 1002–1302(2019)12–0182–04

红心萝卜别称胭脂萝卜,是十字花科萝卜属萝卜种中的一个地方品种,在 1979 年蔬菜品种调查中确认为重庆涪陵特产^[1]。红心萝卜具有心皮全红、色泽鲜美的特点,用以制作泡菜、萝卜干等,口感清脆。此外在红心萝卜中提取的红色素不仅可以作为食品添加剂,还具有抗氧化、抗痛风等功效,其应用前景广阔。涪陵红心萝卜在涪陵及周边区县均有栽种,是非常具有地方特色的蔬菜品种。但由于人们长期以来的自繁自种及红心萝卜与其他萝卜品种容易相互授粉,红心萝卜的一些优良性状已逐步退化,如红心性状普遍退化,亟待人们对其色素合成相关基因展开研究,以保护和利用这一特色农业资源。目前人们对于涪陵红心萝卜的研究主要集中在新品种选育^[1–3]、相关性状关系^[4–6]与萝卜红色素的提取工艺^[7–8]等方面,而关于基因表达量与色素含量之间的关联性分析报告较少。二氢黄酮醇-4-还原酶(*DFR*)是植物花青素合成途径中的关键酶,它在不同植株间具有高度的同源性。*DFR* 基因为保守基因^[9–10],其表达存在时空差异性^[11],并且受多种因素的限制,如 GA、NaCl、光照和 UV-A 等^[12–14]。尽管 *DFR* 基因的相关特性及其在色素合成过程中的重要作用已逐渐为人所知,但其在红心萝卜色素合成中的作用尚不清楚。本研究通过分析 *DFR* 基因在不同肉质颜色萝卜中的表达差异,探寻 *DFR* 基因与萝卜肉质根颜色形成的关系,从分

子水平解析红心萝卜红色素合成的机制,对改善红心萝卜优良性状、提高其利用价值具有重要意义,为通过基因工程手段提高红心萝卜的萝卜红色素含量提供理论依据。

1 材料与方法

1.1 供试材料

试验选用 16 份来自长江师范学院的不同肉质颜色萝卜品种,材料编号及相关表型性状见表 1。

表 1 供试萝卜材料的编号及其性状

编号	叶形	叶色	皮色	肉质	色素含量(‰)
1	板叶	绿色	白色	白色	0.21
2	花叶(深)	绿色	白色	白色	0.03
3	花叶(深)	绿色	白色	白色	0.01
4	花叶(浅)	绿色	白色	白色	0.01
5	板叶	浅红色	红色	白色	2.41
6	花叶(深)	浅红色	红色	白色	1.25
7	花叶(深)	花红色	红色	白色	2.57
8	花叶(深)	绿色	绿色	花心	4.53
9	花叶(深)	花红色	红色	花心	11.23
10	板叶	红色	红色	花心	10.58
11	花叶(深)	花红色	红色	花心	8.68
12	花叶	红色	红色	红心	7.26
13	花叶(深)	浅红色	红色	花心	8.34
14	花叶	深红色	红色	红心	25.43
15	板叶	花红色	红色	花心	23.48
16	花叶(深)	花红色	红色	花心	22.58

1.2 试验方法

1.2.1 试验设计 于 2015 年 9 月至 2016 年 1 月在长江师范学院试验地进行田间试验,采用随机区组设计,设置 2 次重复,每个品种种植 3 行,每行 12 株,行距 50 cm,株距 33 cm。

收稿日期:2018–01–11

基金项目:重庆市科学技术委员会基础与前沿研究项目(编号: estc2016jcyjA0136);重庆市教育委员会科学技术研究项目(编号: KJ1712302);重庆市高等学校青年骨干教师资助计划;长江师范学院青年科研人才成长支持计划。

作者简介:陈发波(1981—),男,四川冕宁人,博士,教授,主要从事作物遗传育种研究。E-mail:chenfabo963@126.com。

通信作者:高 健,博士,讲师,主要从事蔬菜分子生物学研究。E-mail:gaojian_genomics@163.com。

2015 年 9 月 23 日播种,2015 年 9 月 30 日出苗,出苗后 100 d,进行色素含量测定和肉质根总 RNA 的提取,每个处理取中间 10 株获取数据资料。

1.2.2 萝卜肉质根色素含量的测定 16 个不同肉质颜色萝卜品种肉质根的色素含量依照吕发生等提出的方法^[15]提取测定,其操作步骤如下:(1)称取柠檬酸 16.958 0 g,磷酸二氢钠 13.500 0 g 配制成 pH 值为 3.0 的缓冲液 1 000 mL,称取萝卜红色素 0.205 2 g,加入 95 % 乙醇 1 mL 为标准品溶液。然后分别吸取标准品溶液 1 ~ 13 mL 并用缓冲液定容至 100 mL,在 520 nm 处测吸光度,绘制标准曲线。(2)将新鲜肉质根清洗、擦干,切成小颗粒充分混匀,立即称取鲜样测定肉质根含水量,余下部分用浆渣自动分离机获取汁液,搅匀之后取 8 ~ 10 mL 汁液在离心机中以 4 000 r/min 离心 5 min,离心完成后汲取 1 mL 上清液,用磷酸二氢钠缓冲液定容到 100 mL,然后在分光光度计中检测 520 nm 波长下的吸光度。(3)1 000 g 新鲜肉质根的萝卜红含量 $C_{\text{鲜}}(\%) = v \times y$ 。其中,汁液容积 $v(\text{mL}) = 1\,000 \times \text{肉质根含水量}(\%)$;汁液浓度 $y(\text{g/mL})$ 由标准曲线的回归方程计算。

1.2.3 萝卜肉质根总 RNA 的提取 本次萝卜肉质根总 RNA 提取方法参照柱式植物总 RNA 抽提纯化试剂盒(SK8661)提取,试剂盒组成成分(表 2)及具体操作步骤如下。

表 2 柱式植物总 RNA 抽提纯化试剂盒(SK8661)组成成分	
组分	SK8661
纯化套件(吸附柱 + 收集管)	50 套
Buffer Rlysis - PG	25 mL
GT Solution	18 mL
NT Solution	6 mL
DEPC - treated ddH ₂ O	2.5 mL
操作手册	1 份

首先按照试剂盒说明在 GT 溶液、NT 溶液中加入相应量的无水乙醇,混合均匀后在室温下密封保存备用,每次使用后注意将瓶盖旋紧,保持 GT 溶液、NT 溶液中的乙醇含量(18 mL GT 溶液中加入 12 mL 无水乙醇,36 mL GT 溶液中加入 24 mL 无水乙醇;6 mL NT 溶液中加入 24 mL 无水乙醇,12 mL NT 溶液中加入 48 mL 无水乙醇)。最后在 1.5 mL RNase - free 的离心管加入 450 μL Buffer Rlysis - PG 后备用。

(1)取萝卜肉质根组织 25 ~ 50 mg 于研钵中,加入少许液氮迅速研磨成粉末,并将其全部转移到 1.5 mL 离心管中,立刻振荡将之混匀,在室温中放置 5 min 后置于 4 $^{\circ}\text{C}$ 离心机中以 12 000 r/min 离心 3 min,将离心后的上清液转移到 1.5 mL RNase - free 离心管中,然后加入二分之一体积的无水乙醇,并充分混合均匀。(2)将吸附柱放入收集管中,用移液器将上述离心管中溶液全部加至吸附柱中,静置 1 min,在室温下以 12 000 r/min 离心 1 min 后将收集管中的废液倒掉;加入 500 μL GT 溶液,静置 1 min,在室温下以 10 000 r/min 离心 1 min 后将收集管中的废液倒掉;加入 500 μL NT 溶液,静置 1 min,在室温下以 10 000 r/min 离心 1 min 后将收集管中的废液倒掉。(3)将吸附柱放回收集管中,以 12 000 r/min 离心 2 min 后将吸附柱取出放入 1.5 mL RNase - free 离心管中,在吸附柱中间加入 30 ~ 50 μL DEPC - treated ddH₂O,静

置 2 min 后以 12 000 r/min 离心 2 min,将最后得到的 RNA 溶液置于 -70 $^{\circ}\text{C}$ 冰箱中保存或留待后续试验使用。

1.2.4 DFR 引物设计 选用 Primer 5 软件设计目的基因和内参基因的上下引物碱基序列。依据美国国立生物信息网(NCBI)发布的 DFR 基因碱基序列,设计 DFR 基因的引物序列:*DFR* - F;5' - TCATCGGTCATGGCTCGT - 3' 59.1,*DFR* - R;5' - CCGTTTATGGCGTCATCGTA - 3',扩增产物全长共 184 bp;内参基因(*Actin*)的引物序列:*Actin* - F;5' - TATGAGCAAAGAGATCACAGCACT - 3',*Actin* - R;5' - TGAGGGAAGCAAGAATGGA A - 3',扩增产物全长共 113 bp。*DFR* 基因引物和内参基因(*Actin*)引物由上海生工生物工程股份有限公司合成。

1.2.5 RNA 反转录合成第一链 cDNA 使用第一链 cDNA 合成试剂盒合成第一链 cDNA,操作流程如下:(1)将以下试剂加入 0.2 mL PCR 管中:总 RNA 5 μL 、0.2 $\mu\text{g}/\mu\text{L}$ Random Primer p(dN)1 μL 和 RNase - free ddH₂O 5 μL ;(2)70 $^{\circ}\text{C}$ 温浴 5 min;(3)冰浴 10 s,将如下试剂加入离心后溶液中:10 U/ μL AMV Reverse Transcriptase 2.0 μL 、20 U/ μL RNase inhibitor 1.0 μL 、10 mmol/L dNTP Mix 2.0 μL 、5 \times Reaction Buffer 4.0 μL ,总体积共 20.0 μL ;(4)37 $^{\circ}\text{C}$ 温浴 5 min;(5)42 $^{\circ}\text{C}$ 温浴 60 min;(6)70 $^{\circ}\text{C}$ 温水浴 10 min 后立即终止反应;(7)将上述溶液 -20 $^{\circ}\text{C}$ 保存或后续研究使用。

1.2.6 荧光定量 PCR 测定 将上述合成的 cDNA 样品稀释 8 倍作为模板上机检测,然后配置反应混合液(表 3)和设置 PCR 循环条件(表 4),完成上述步骤后,将反应混合液加入 96 孔板后放在 RT - PCR 仪中开始扩增反应。得到产物的扩增曲线与溶解曲线后,采用 $2^{-\Delta\Delta C_t}$ 法^[16]计算 DFR 基因初始模板数量的相对表达量(以内参基因 *Actin* 为标准)。

表 3 荧光定量 PCR 反应混合液		
成分	浓度	体积(μL)
Master Mix	2 \times	10
引物 F	10 $\mu\text{mol/L}$	1
引物 R	10 $\mu\text{mol/L}$	1
ddH ₂ O		7
cDNA		1
总计		20

表 4 实时荧光定量 PCR 仪的 PCR 循环条件			
项目	温度($^{\circ}\text{C}$)	时间	循环
预变性	95	2 min	1
变性	95	10 s	40
退火	40	40 s	40
延伸	40	40 s	40

1.3 数据分析

用 DPS 数据处理系统对 16 种不同肉质颜色萝卜的 DFR 基因表达量(相对定量)和肉质根色素含量进行方差分析,然后将 DFR 基因表达量与色素含量进行相关分析。

2 结果与分析

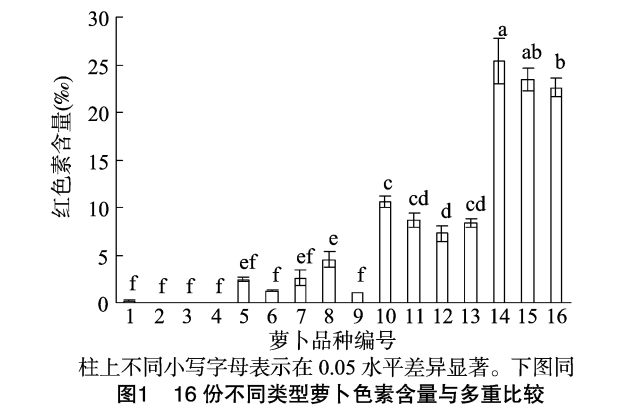
2.1 不同萝卜品种色素含量分析

对 16 个萝卜品种的色素含量进行方差分析,结果(表 5)表明,不同类型萝卜品种间色素含量存在真实差异。16 个萝

卜品种的色素含量和多重比较结果见图 1。由图 1 可知,16 个萝卜品种间色素含量变幅在 0.01‰~25.43‰,平均值为 7.40‰。其中编号 14 萝卜品种色素含量最高(25.43‰),编号 3 和编号 4 萝卜红色素含量最低(0.01‰);编号 14 (25.43‰)、编号 15(23.48‰)和编号 16(22.58‰)萝卜品种色素含量显著高于其他种萝卜品种;编号 10、编号 11、编号 12 和编号 13 萝卜品种色素含量分别为 10.58‰、8.68‰、7.26‰ 和 8.34‰;编号 8 萝卜品种色素含量为 4.53‰;编号 5、编号 6、编号 7 和编号 9 萝卜品种红色素含量分别为 2.41‰、1.25‰、2.57‰和 1.00‰;编号 1、编号 2、编号 3 和编号 4 萝卜肉质根品种几乎不含萝卜红色素。

表 5 16 个不同品种萝卜色素含量方差分析					
变异来源	平方和	自由度	均方	F 值	P 值
区组间	5.809 9	2	2.905	1.41	0.259 8
处理间	3 531.657 6	15	235.443 8	114.294 0	**0.000 1
误差	61.799 6	30	2.06	—	—
总变异	3 599.267 2	47	—	—	—

注:**表示在 0.01 水平上差异显著。下表同。



柱上不同小写字母表示在 0.05 水平差异显著。下图同

图1 16 份不同类型萝卜色素含量与多重比较

为进一步分析不同类型萝卜肉质根红色素含量的变化情况,将 16 个品种的萝卜按照皮和肉质的颜色分为 5 个类型:白皮白心(编号 1、编号 2、编号 3 和编号 4),红皮白心(编号 5、编号 6 和编号 7),绿皮红心(编号 8),红皮花心(编号 9、编号 10、编号 11、编号 13、编号 15 和编号 16),红皮红心(编号 12 和编号 14)。方差分析结果(表 6)和多重比较结果(图 2)表明,5 种不同肉质颜色萝卜间肉质根红色素含量存在极显著差异,说明红色素含量与肉质颜色有关。由图 2 可知,红皮红心萝卜色素含量最高,为 22.83‰,其次为红皮花心萝卜(7.172‰)、绿皮花心萝卜(4.530‰)、红皮白心萝卜(2.077‰)和白皮白心萝卜(0.065‰)。

表 6 不同肉质颜色萝卜色素含量方差分析					
变异来源	平方和	自由度	均方	F 值	P 值
区组间	4.456 7	2	2.228 3	2.111	0.183 6
处理间	1 080.847 9	4	270.212	255.925 **	0.000 1
误差	8.446 6	8	1.055 8	—	—
总变异	1 093.751 1	14	—	—	—

2.2 不同萝卜品种 DFR 基因表达量分析

以从萝卜肉质根提取的 RNA 反转录合成的第一链 cDNA 为模板,以内参基因(Actin)为标准,采用 RT-PCR 扩增后得到溶解曲线和扩增曲线,采用 2^{-ΔΔC_t}法计算 16 个品种

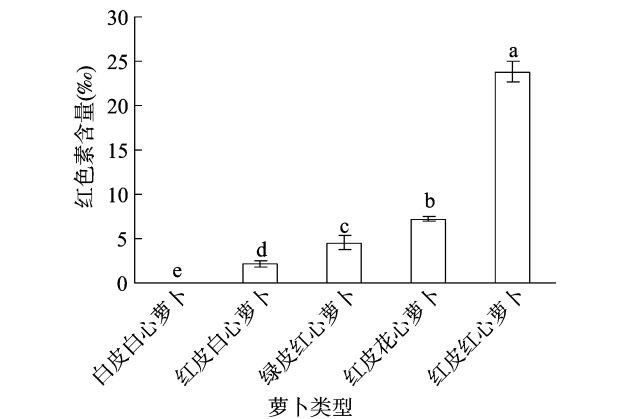


图2 不同肉质颜色萝卜色素含量与多重比较

萝卜的 DFR 基因表达量(相对定量),并对其进行方差分析(表 7)。结果表明,DFR 基因在 16 个品种萝卜中的表达差异达到了极显著差异水平。由图 3 可知,编号 16 萝卜品种的 DFR 基因表达量最高,达到 6.639 3,编号 1、编号 2、编号 3、编号 4、编号 5、编号 6、编号 7、编号 8、编号 9、编号 10、编号 12 和编号 13 萝卜品种 DFR 基因表达量变幅为 0.077 9~1.059,编号 11、编号 14 和编号 15 萝卜品种的表达量分别为 3.049 0、5.309 7 和 4.222 1。

表 7 16 个萝卜品种 DFR 基因相对定量方差分析					
变异来源	平方和	自由度	均方	F 值	P 值
区组间	1.081 0	2	0.540 5	0.935 0	0.403 9
处理间	192.525 6	15	12.835 0	22.192 0 **	0.000 1
误差	17.350 8	30	0.578 4	—	—
总变异	210.957 5	47	—	—	—

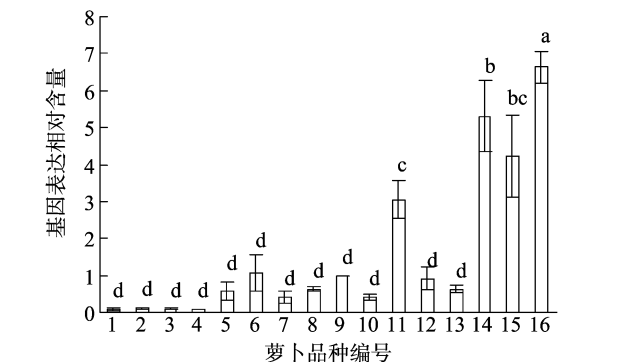


图3 16 份不同类型萝卜 DFR 基因的相对表达量与多重比较

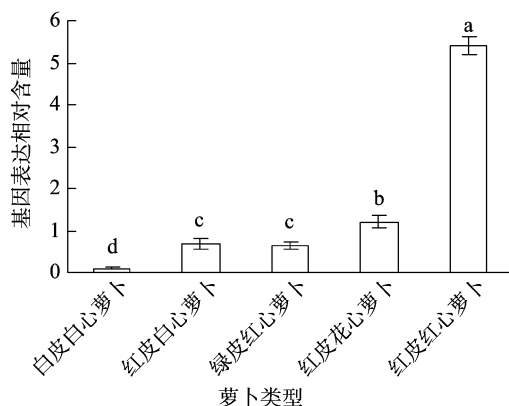
方差分析结果(表 8)表明,5 种不同肉质颜色萝卜品种间 DFR 基因相对表达量存在极显著差异。由图 4 可知,红皮红心萝卜的 DFR 基因表达量最高,为 5.390 4,红皮花心萝卜基因表达量为 1.198 5,白皮白心萝卜的相对定量最低,为 0.091 4,而红皮白心萝卜和绿皮红心萝卜 DFR 基因表达量分别为 0.674 6 和 0.632 9。

2.3 不同萝卜品种 DFR 基因表达量与萝卜红色素含量相关分析

为了探明 DFR 基因表达量与萝卜肉质根红色素含量的关系,采用 DPS 数据处理软件对 16 个萝卜品种的 DFR 基因表达量和萝卜肉质根色素含量进行相关分析。结果表明,

表 8 5 类不同肉质颜色萝卜 *DFR* 基因表达量方差分析

变异来源	平方和	自由度	均方	<i>F</i> 值	<i>P</i> 值
区组间	0.242 1	2	0.121 1	3.047	0.103 8
处理间	55.787 5	4	13.946 9	351.104 0**	0.000 1
误差	0.317 8	8	0.039 7	—	—
总变异	56.347 4	14	—	—	—

图 4 5 类肉质根中 *DFR* 基因的相对表达量与多重比较

DFR 基因表达量与红色素含量之间的相关系数为 0.89, 达到了极显著水平, 说明 *DFR* 基因的表达量越高, 红色素的含量越高。

3 结论与讨论

已有研究表明, *DFR* 是植物花色苷合成途径中的关键酶, 大量学者在矮牵牛、金鱼草、拟南芥、三叶草、兰花、非洲菊等多种作物方面进行了研究^[13], 但是关于涪陵红心萝卜方面的研究却鲜有报道, 仅有孙玉燕等研究了 *DFR* 基因在白肉萝卜与红肉萝卜在不同发育阶段的表达模式^[17], 却未对 *DFR* 基因与红心萝卜色素含量进行相关分析, 而弄清 *DFR* 基因的表达量与萝卜红色素含量之间的关联将有利于更好地改善红心萝卜色素含量。本研究中, *DFR* 基因的相对定量与肉质根红色素含量之间的相关系数为 0.89, 达到了极显著水平, 说明 *DFR* 基因的表达量越高, 红色素的含量越高, *DFR* 基因可能是红色素合成过程中的关键基因。这与文樵夫等的研究结果^[18]类似, 他们的研究结果表明海棠叶片的 *DFR* 基因表达量与叶色密切相关, 叶色越红的海棠, 其叶片中花色苷含量和 *DFR* 基因的表达量相对较高。此外马春雷等发现不同茶树品种中总儿茶素含量随着 LAR 和 *DFR* 基因表达量增加而增加, 而其他基因的表达量多少则与总儿茶素含量变化无关, 因此推断出 *DFR* 基因可能是茶树黄酮类代谢过程中的重要基因^[19]。以上研究结果表明, *DFR* 基因的表达量与色素积累关系密切, 在色素合成过程中发挥着重要作用。 *DFR* 基因在花色苷合成途径中发挥着关键作用, 许多学者将 *DFR* 基因作为候选基因, 从分子水平上改善植物的色素含量, 并且已经取得了一定的成效。宋峰将毛白杨 *DFR* 基因转入烟草中, 发现外源 *DFR* 基因能够改变烟草花瓣的颜色^[20]。许志茹等研究发现, 使烟草 *DFR* 基因过量表达后, 花色能够明显加深, 而将芜菁的 *DFR* 基因 RNAi 载体遗传转化烟草后观察到花色变浅^[13]。由此, 笔者认为在今后红心萝卜红色素含量育种中,

可以将 *DFR* 作为萝卜基因工程育种的候选基因。

在植物色素合成通路中有许多基因都会影响色素的积累, 如 *CHI*、*CHS* 和 *ANS* 等, 然而本研究只对红心萝卜肉质根成色过程中的 1 个基因 *DFR* 进行了初步的分析, 今后有待于进一步地深入开展红心萝卜色素合成分子机理研究。

参考文献:

- [1] 吕发生, 谭革新, 陶洪英, 等. 涪陵红心萝卜新品种胭脂红 1 号的选育[J]. 中国蔬菜, 2012, 1(2): 104–106.
- [2] 吕发生, 陶洪英, 谭革新, 等. 杂交红心萝卜胭脂红 1 号亲本繁育技术规程[J]. 陕西农业科学, 2015, 61(9): 122–123.
- [3] 秦文斌, 戴忠良, 张振超, 等. 优质、高花青素萝卜胭脂 1 号的选育与高产栽培技术[J]. 江西农业学报, 2012, 24(4): 75–76.
- [4] 秦家顺, 许明惠, 李昌满. 胭脂萝卜农艺性状与肉质根色素产量的多元回归和通径分析[J]. 河南农业科学, 2014, 43(1): 107–109.
- [5] 陶洪英, 吕发生, 谭革新, 等. 红心萝卜肉质根性状间的关系[J]. 西南农业学报, 2015, 25(2): 605–608.
- [6] 陈发波, 李春明, 姚启伦, 等. 不同施肥处理对胭脂萝卜主要性状的影响[J]. 安徽农业大学学报, 2016(3): 441–446.
- [7] 司军, 李成琼, 任雪松, 等. 胭脂萝卜红色素提取及其形成机理研究[J]. 西南大学学报(自然科学版), 2010, 32(6): 73–77.
- [8] 阳晖, 杨呈凤, 李昌满, 等. 胭脂萝卜废渣中萝卜硫素的提取工艺研究[J]. 食品科技, 2016(2): 259–264.
- [9] 潘怡辰, 王坤, 王汝茜, 等. 三种小麦作物二氢黄酮醇 4-还原酶(*DFR*)基因的生物信息学分析[J]. 中国农学通报, 2014, 30(6): 72–76.
- [10] 肖继坪, 王琼, 郭华春. 彩色马铃薯二氢黄酮醇 4-还原酶(*DFR*)基因的克隆及生物信息学分析[J]. 分子植物育种, 2011, 9(6): 728–735.
- [11] 褚云霞, 陈海荣, 潘俊松, 等. 矮牵牛 *DFR*-A 基因的克隆与表达分析[J]. 中国农学通报, 2014, 30(10): 163–169.
- [12] 董洁, 王学敏, 王赞, 等. 紫花苜蓿二氢黄酮醇还原酶基因(*MsDFR*)的克隆与分析[J]. 草业学报, 2014(4): 123–132.
- [13] 许志茹, 刘通, 崔国新, 等. 芜菁二氢黄酮醇 4-还原酶基因的克隆与功能鉴定[J]. 园艺学报, 2014, 41(4): 687–700.
- [14] Wu H X, Jia H M, Ma X W, et al. Transcriptome and proteomic analysis of mango (*Mangifera indica* L.) fruits[J]. Journal of Proteomics, 2014, 105(6): 19–30.
- [15] 吕发生, 何晓蓉, 罗永统, 等. 红心萝卜肉质根色素含量的测定[J]. 西南农业学报, 2004, 17(6): 763–765.
- [16] Pfaffl M W. A new mathematical model for relative quantification in real-time RT-PCR[J]. Nucleic Acids Research, 2001, 29(9): e45.
- [17] 孙玉燕, 张晓辉, 邱杨, 等. 二氢黄酮醇还原酶基因在红肉萝卜和白肉萝卜中的序列变异和表达差异[J]. 植物遗传资源学报, 2014, 15(3): 554–560.
- [18] 文樵夫, 沈红香, 姚允聪, 等. 苹果属观赏海棠 *McDFR* 的克隆及不同叶色品种间的表达差异[J]. 林业科学, 2010, 46(11): 16–24.
- [19] 马春雷, 乔小燕, 陈亮. 茶树无色花色苷还原酶基因克隆及表达分析[J]. 茶叶科学, 2010, 30(1): 27–36.
- [20] 宋峰. 毛白杨二氢黄酮醇 4-还原酶(*DFR*)基因在烟草中的功能验证[D]. 重庆: 西南大学, 2010.